Predicted epitopes:

No.	Start Position	End Position	Peptide	Peptide Length
1	1	12	MPQTTDEAASVS	12
2	14	31	VADIKPRSRDVTDGLEKA	18
3	42	61	MDDEDFAKPQIGVASSWNEI	20
4	80	82	FSA	3
5	84	87	GYPL	4
6	97	100	GISM	4
7	139	140	KS	2
8	165	165	P	1
9	168	177	AKLSDGSERD	10
10	200	201	VD	2
11	207	218	ICPGEGACGGMY	12
12	222	225	TMAS	4
13	234	253	LPGSAAPPATDRRRDGFARR	20
14	290	290	S	1
15	315	316	RI	2
16	318	319	SG	2
17	321	323	PHL	3
18	339	340	HI	2
19	367	367	T	1
20	374	383	AITPPDPDGK	10
21	391	396	PIHPSG	6
22	405	412	LAPEGAVV	8
23	415	423	AGFDSDVFE	9
24	427	430	RVFD	4
25	433	434	RA	2
26	439	439	L	1
27	441	441	D	1
28	443	445	TIT	3
29	455	463	EGPKGGPGM	9
30	474	478	KGAGL	5
31	489	495	RFSGGTT	7
32	504	510	PEAVDGG	7
33	537	555	AEFASRQQDFSPPPPRYTT	19